USZ Universitäts Spital Zürich

Institut für Pathologie und Molekularpathologie
Schmelzbergstrasse 12, 8091 Zürich Tel: 044 255 16 66 Mail: molpath@usz.ch
www.usz.ch/fachbereich/pathologie-molekularpathologie/angebot/molekularpathologie/

Molekularpathologische Untersuchungen

Patienten-Etikette oder Patienten-Angaben	
Name	
Vorname	
Geschlecht	bitte wählen
Geburtsdatum	
Strasse	
PLZ/Ort	
Referenz/Proben-Nummer	
Entnahmedatum d. Probe	

Auftraggeber/Einsender

☐ **Befundkopie an**

Rechnung an:
☐ Patient
☐ Auftraggeber
☐ Drittzahler

Klinische Angaben, Diagnose, Vorbefunde (Berichte bitte beilegen)

Angaben zur Probe

Fragestellung

Material: ☐ Paraffinblock ☐ Blut (EDTA/Citrat/Streck) ☐ Leerschnitte ☐ Anderes:

HOTSPOT-ANALYSEN (SANGER SEQUENCING)

☐ CTNNB1	
☐ GNAS	
☐ MYD88/CXCR4	2-4

KLONALITÄTSNACHWEISE

☐ IgH (ggf. inkl. IgK)	
☐ TcR Gamma	
☐ IgH-Mutationsstatus	2-4

SCHNELLTESTS (IDYLLA)

☐ Idylla™ EGFR ☐ Idylla™ NRAS & BRAF
☐ Idylla™ KRAS ☐ Idylla™ MSI
2-4

INFEKTIONSPATHOLOGIE

☐ Hepatitis E	
☐ HHV8	
☐ HPV (Nachweis inklusive Typisierung)	
☐ Treponema pallidum (IHC)	
☐ Mykobakterium tuberculosis & atypische Mykobakterien (Nachweis inklusive Typisierung)	5-10

LIQUID BIOPSY

EDTA: 2x 10mL STRECK: 2x 10mL — <2 Std <7 Tage — Raum temp.

☐ Oncomine Breast cfDNA Assay	
☐ Oncomine Colon cfDNA Assay	
☐ Oncomine Lung cfDNA Assay	
☐ Oncomine Pan-Cancer cfNA Assay	
☐ ① FoundationOne® Liquid CDx	
	5-10

MIKROSATELLITEN-ANALYSEN

☐ MMR-IHC (MLH1, PMS1, MSH2, MSH6)	1-2
☐ MLH1 Promoter-Methylierung	4-5
☐ MSI-PCR ⓘ (Bethesda-Panel + NR21, NR22, NR24) Bitte zusätzlich Normalgewebe in Form von Paraffinblock oder Blut einsenden	2-3

TUMOR PROFILING MITTELS NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS)

☐ Leitlinien-gerechte Auswahl durch Molekularpathologie		ⓘ erfordert zwingend klinische Angaben (Diagnose, Vorbefunde, Fragestellung, ...)
☐ Archer FusionPlex USZ Sarcoma Panel v2 (Custom Panel)	5-10	ⓘ 75 Genfusionen
☐ Archer FusionPlex USZ SalvGlandDx Panel v2 (Custom Panel)	10	ⓘ Hotspots in 11 Genen, 22 Genfusionen, Expression von 1 Gen
☐ Archer NTRK 1-3 Panel	10	ⓘ Hotspots in 9 Genen,18 Genfusionen
☐ Archer VariantPlex Myeloid Panel	10	ⓘ 60 Gene und Hotspots
☐ Archer VariantPlex USZ Lymphoid Panel (Custom Panel)	10	ⓘ 59 Gene und Hotspots
☐ Ion AmpliSeq TP53 Panel	5-10	ⓘ 1 Gen, komplettt abgedeckt
☐ Oncomine Focus Assay (OFA)	5-10	ⓘ Hotspots in 53 Genen, CNVs in 19 Genen, 23 Genfusionen
☐ Oncomine Comprehensive Assay v3 (OCAv3)	5-10	ⓘ 161 Gene und Hotspots, CNVs in 43 Genen, 48 Genfusionen
☐ Oncomine HRR Panel	5-10	ⓘ 37 Gene und Hotspots, CNVs in 34 Genen
☐ Oncomine BRCA Assay	5-10	ⓘ 2 Gene, komplett abgedeckt
☐ Oncomine Tumor Mutation Load Assay (TMB)	5-10	ⓘ 398 Gene, alle komplett abgedeckt
☐ MelArray Dx	5-10	ⓘ 190 Gene, alle komplett abgedeckt, whole genome CNV
☐ Methylation Array (inkl. MGMT promotor & 1p/19q Deletion) ②	10-15	ⓘ Infinium Methylation EPIC-Array, 840'000 Methylation-Sites
③ FoundationOne® CDx	10	ⓘ 324 Gene (DNA), alle Exone sowie für 36 Gene intronische Regionen
③ FoundationOne® HEME	10	ⓘ 406 Gene (DNA), alle Exone sowie für 31 Gene intronische Regionen, 265 Gene (RNA), whole genome CNV

HEREDITÄRE ENDOKRINE TUMORE

☐ CDC73	5-10	ⓘ Hyperparathyreoidismus-Kiefertumor-Syndrom
☐ MEN1	5-10	ⓘ Multiple endocrine neoplasia type 1, früher Wermer syndrome
☐ RET	5-10	ⓘ Familiäres Schilddrüsenkarzinom, FMTC
☐ VHL	5-10	ⓘ von Hippel-Lindau Syndrom
☐ SDHx, MAX, TMEM127, FH, VHL, RET	5-10	ⓘ Familiäres Paragangliom, Pheochromozytom
☐ WHO Gen-Panel für endokrine Tumore	5-10	

① Bestellung in Rücksprache mit Dr. Martin Zoche (→ Kontaktdetails)
② Für externe Einsender nur im Rahmen eines neuropathologischen Konsils
③ Bitte verwenden Sie das spezifische Einsendeformular (→ Link)

ungefähre Bearbeitungszeit in Arbeitstagen
ⓘ zusätzliche Informationen zu den Eigenschaften des jeweiligen Assays

SENDEN